

Supplementary Information for:
“Self-organizing neural networks to support the discovery of DNA-binding motifs”,
by
Shaun Mahony, Panayiotis V. Benos, Terry J. Smith, Aaron Golden

Supplementary Table 1. Performance of motif-finders in 77 motif-finding datasets from the *S. cerevisiae* genome. The performance of MEME and AlignACE are compared with that of SOMBRERO using a gradient-random initialisation (G.-R. Init.) and SOMBRERO using an initialisation based on a BP-SOM clustering of yeast motifs (Prior Init.). The best harmonic mean value (*F*) in each dataset is highlighted in bold.

Name	Length (bp)	Known	SOMBRERO (G.-R. Init.)			SOMBRERO (Prior Init.)			MEME			AlignACE		
			FN	FP	F	FN	FP	F	FN	FP	F	FN	FP	F
<i>REB1</i>	83622	176	0.05	0.05	0.952	0.05	0.04	0.957	0.72	0.00	0.442	0.21	0.04	0.866
<i>STE12</i>	70571	169	0.44	0.52	0.514	0.69	0.66	0.324	0.89	0.45	0.178	1.00	1.00	0.000
<i>CBF1</i>	68640	123	0.04	0.13	0.915	0.03	0.14	0.908	0.62	0.06	0.543	0.02	0.09	0.945
<i>ABF1</i>	68068	157	0.01	0.12	0.931	0.05	0.09	0.931	0.69	0.02	0.473	0.03	0.07	0.950
<i>SKN7</i>	62654	77	0.40	0.46	0.568	0.38	0.44	0.589	0.83	0.74	0.205	0.51	0.32	0.571
<i>SWI6</i>	61295	132	0.62	0.55	0.413	0.30	0.47	0.599	0.70	0.22	0.429	0.59	0.16	0.551
<i>GCN4</i>	56713	129	0.23	0.25	0.759	0.18	0.31	0.749	0.67	0.10	0.486	1.00	1.00	0.000
<i>CIN5</i>	50626	70	0.59	0.76	0.305	0.26	0.32	0.712	0.00	0.00	0.000	0.99	0.98	0.016
<i>MBP1</i>	50523	138	0.21	0.20	0.793	0.30	0.12	0.777	0.64	0.02	0.521	0.52	0.08	0.629
<i>DIG1</i>	48400	134	0.65	0.45	0.429	0.54	0.47	0.490	0.87	0.29	0.215	1.00	1.00	0.000
<i>SWI4</i>	47287	103	0.38	0.22	0.692	0.19	0.30	0.748	0.61	0.20	0.523	0.51	0.18	0.610
<i>FHL1</i>	45728	86	0.05	0.20	0.872	0.03	0.25	0.843	0.43	0.02	0.721	0.16	0.13	0.852
<i>UME6</i>	45678	72	0.01	0.13	0.922	0.01	0.10	0.940	0.32	0.02	0.803	0.13	0.10	0.887
<i>HSF1</i>	43897	67	0.19	0.49	0.624	0.15	0.42	0.691	0.43	0.24	0.650	0.61	0.19	0.525
<i>NRG1</i>	41018	52	0.06	0.40	0.731	0.25	0.30	0.722	0.40	0.23	0.674	0.37	0.23	0.695
<i>FKH2</i>	40299	66	0.17	0.56	0.579	0.06	0.58	0.577	0.61	0.30	0.505	0.53	0.24	0.579
<i>RAP1</i>	38742	75	0.15	0.35	0.736	0.09	0.28	0.800	0.39	0.08	0.736	0.28	0.22	0.750
<i>FKH1</i>	38418	98	0.45	0.37	0.587	0.24	0.49	0.612	0.71	0.30	0.406	0.61	0.25	0.510
<i>PHD1</i>	38081	61	0.44	0.70	0.391	0.41	0.67	0.424	0.90	0.71	0.146	0.70	0.28	0.419
<i>SOK2</i>	35362	91	0.82	0.66	0.232	0.66	0.43	0.428	0.90	0.70	0.149	0.82	0.16	0.291
<i>MCM1</i>	32089	64	0.09	0.17	0.866	0.06	0.13	0.902	0.27	0.06	0.825	0.17	0.15	0.841
<i>YAP7</i>	29614	59	0.36	0.07	0.760	0.17	0.14	0.845	0.54	0.04	0.621	0.46	0.11	0.674
<i>GLN3</i>	27490	49	0.43	0.58	0.483	0.29	0.58	0.530	0.98	0.75	0.038	0.96	0.98	0.028
<i>AFT2</i>	27359	79	0.71	0.34	0.404	0.58	0.31	0.520	0.90	0.67	0.155	1.00	1.00	0.000
<i>HAP1</i>	26021	35	0.31	0.62	0.490	0.03	0.29	0.819	0.17	0.09	0.866	0.31	0.23	0.727
<i>RPN4</i>	25346	47	0.06	0.02	0.957	0.00	0.13	0.931	0.02	0.08	0.948	0.04	0.18	0.882
<i>TEC1</i>	24363	61	0.44	0.47	0.544	0.20	0.49	0.620	0.97	0.78	0.057	1.00	1.00	0.000
<i>SUT1</i>	21318	24	0.46	0.48	0.531	0.13	0.48	0.656	0.50	0.66	0.407	0.38	0.61	0.484
<i>SUM1</i>	20919	51	0.37	0.37	0.627	0.12	0.24	0.818	0.39	0.14	0.713	0.31	0.03	0.805
<i>NDD1</i>	20696	28	0.18	0.34	0.730	0.07	0.26	0.825	0.25	0.32	0.712	0.14	0.27	0.787
<i>SWI5</i>	17612	43	0.60	0.39	0.479	0.21	0.46	0.642	0.81	0.53	0.267	1.00	1.00	0.000
<i>TYE7</i>	16631	31	0.16	0.13	0.852	0.00	0.14	0.925	0.13	0.07	0.900	0.19	0.04	0.877
<i>INO2</i>	16629	31	0.39	0.27	0.667	0.10	0.24	0.824	0.32	0.19	0.737	0.42	0.31	0.632
<i>DAL82</i>	16466	38	0.71	0.69	0.301	0.58	0.54	0.438	0.92	0.77	0.118	1.00	1.00	0.000

<i>MSN2</i>	14795	15	0.67	0.58	0.370	0.20	0.45	0.649	0.67	0.55	0.385	0.27	0.42	0.647
<i>INO4</i>	14372	24	0.13	0.30	0.778	0.08	0.15	0.880	0.13	0.09	0.894	0.21	0.27	0.760
<i>SPT23</i>	14154	24	0.50	0.81	0.276	0.50	0.66	0.407	0.92	0.96	0.058	0.67	0.85	0.205
<i>HAP5</i>	14022	22	0.82	0.71	0.222	0.45	0.50	0.522	0.59	0.47	0.462	1.00	1.00	0.000
<i>PHO4</i>	13790	21	0.19	0.26	0.773	0.24	0.11	0.821	0.29	0.12	0.789	0.14	0.05	0.900
<i>ROX1</i>	13303	12	0.67	0.87	0.190	0.67	0.88	0.174	0.92	0.91	0.087	0.92	0.93	0.077
<i>HAP4</i>	12962	28	0.25	0.25	0.750	0.11	0.14	0.877	0.18	0.18	0.821	0.32	0.14	0.760
<i>RCS1</i>	12592	27	0.26	0.44	0.635	0.15	0.21	0.821	0.30	0.14	0.776	0.22	0.22	0.778
<i>MSN4</i>	12528	22	0.55	0.57	0.444	0.41	0.43	0.578	0.82	0.64	0.242	0.23	0.51	0.596
<i>BAS1</i>	11850	33	0.30	0.36	0.667	0.18	0.31	0.750	0.42	0.14	0.691	1.00	1.00	0.000
<i>HAP2</i>	11782	22	0.68	0.88	0.175	0.14	0.42	0.691	0.68	0.13	0.467	1.00	1.00	0.000
<i>SNT2</i>	10712	15	0.00	0.12	0.938	0.00	0.21	0.882	0.07	0.13	0.903	0.00	0.12	0.938
<i>RLM1</i>	9736	9	0.89	0.92	0.091	0.11	0.75	0.390	0.89	0.94	0.077	0.89	0.92	0.091
<i>SKO1</i>	9051	8	0.63	0.84	0.222	0.63	0.83	0.231	0.75	0.00	0.400	1.00	1.00	0.000
<i>SFP1</i>	8548	24	0.25	0.25	0.750	0.00	0.20	0.889	0.00	0.23	0.873	0.13	0.16	0.857
<i>ACE2</i>	7619	12	0.00	0.54	0.632	0.00	0.65	0.520	0.08	0.31	0.786	0.08	0.50	0.647
<i>LEU3</i>	7383	11	0.00	0.42	0.733	0.00	0.42	0.733	0.00	0.27	0.846	0.00	0.31	0.815
<i>STB1</i>	7314	23	0.26	0.41	0.654	0.09	0.42	0.712	0.52	0.39	0.537	0.17	0.37	0.717
<i>MET32</i>	7006	11	0.18	0.69	0.450	0.00	0.69	0.478	0.45	0.25	0.632	0.27	0.50	0.593
<i>STB5</i>	6982	15	0.40	0.55	0.514	0.07	0.59	0.571	0.33	0.33	0.667	0.00	0.27	0.842
<i>YDR026c</i>	6899	10	0.00	0.33	0.800	0.00	0.44	0.714	0.10	0.10	0.900	0.00	0.00	1.000
<i>HAP3</i>	6815	14	0.79	0.90	0.136	0.57	0.87	0.203	0.50	0.13	0.636	1.00	1.00	0.000
<i>MOT3</i>	6373	11	0.73	0.90	0.143	0.73	0.79	0.240	0.91	0.50	0.154	0.91	0.92	0.087
<i>ADR1</i>	6156	12	0.67	0.78	0.267	0.67	0.79	0.258	0.83	0.00	0.286	1.00	1.00	0.000
<i>GAL4</i>	5935	13	0.23	0.29	0.741	0.00	0.17	0.909	0.08	0.08	0.923	0.00	0.00	1.000
<i>YAP1</i>	5683	13	0.38	0.62	0.471	0.08	0.59	0.571	0.08	0.08	0.923	0.08	0.14	0.889
<i>CAD1</i>	5500	8	0.13	0.70	0.452	0.00	0.62	0.552	0.25	0.25	0.750	0.13	0.42	0.700
<i>SPT2</i>	4761	11	0.27	0.62	0.500	0.09	0.67	0.488	0.91	0.50	0.154	0.82	0.85	0.167
<i>DAL80</i>	4679	9	0.67	0.89	0.167	0.67	0.88	0.182	0.89	0.89	0.111	1.00	1.00	0.000
<i>GCR1</i>	4472	7	0.57	0.79	0.286	0.43	0.84	0.250	0.71	0.00	0.444	0.71	0.90	0.143
<i>RFX1</i>	4212	9	0.00	0.25	0.857	0.00	0.31	0.818	0.00	0.18	0.900	0.00	0.10	0.947
<i>RDS1</i>	4133	8	0.13	0.36	0.737	0.13	0.13	0.875	0.75	0.00	0.400	0.00	0.47	0.696
<i>RGT1</i>	3854	12	0.25	0.53	0.581	0.08	0.62	0.537	0.17	0.44	0.667	0.17	0.73	0.408
<i>MAC1</i>	3586	5	0.40	0.89	0.188	0.60	0.90	0.154	0.40	0.82	0.273	0.00	0.67	0.500
<i>YOX1</i>	3466	4	0.25	0.94	0.113	0.50	0.93	0.118	0.75	0.50	0.333	0.50	0.90	0.167
<i>GAT1</i>	3104	15	0.27	0.76	0.367	0.13	0.58	0.565	0.80	0.88	0.154	0.20	0.29	0.750
<i>SIP4</i>	3073	6	0.33	0.43	0.615	0.33	0.84	0.258	0.00	0.50	0.667	0.50	0.73	0.353
<i>THI2</i>	2930	6	0.50	0.87	0.207	0.00	0.75	0.400	0.17	0.00	0.909	0.17	0.55	0.588
<i>RLR1</i>	2876	4	0.25	0.86	0.231	0.25	0.91	0.167	0.75	0.83	0.200	0.50	0.92	0.138
<i>STB4</i>	2468	6	0.00	0.33	0.800	0.00	0.40	0.750	0.00	0.25	0.857	0.00	0.25	0.857
<i>RTG3</i>	2446	4	0.00	0.80	0.333	0.00	0.89	0.205	0.50	0.00	0.667	1.00	1.00	0.000
<i>MET4</i>	2418	4	0.00	0.50	0.667	0.00	0.71	0.444	0.25	0.67	0.462	0.00	0.43	0.727
<i>PUT3</i>	2245	4	0.00	0.33	0.800	0.00	0.73	0.421	0.00	0.50	0.667	0.00	0.00	1.000
Total	1676760	3289	0.33	0.43	0.615	0.24	0.41	0.668	0.60	0.29	0.515	0.52	0.31	0.565